



中华人民共和国国家标准

GB/T 29859—2013

生物信息学术语

Bioinformatics terms

2013-11-12 发布

2014-04-15 实施

中华人民共和国国家质量监督检验检疫总局
中国国家标准化管理委员会 发布

目 次

前言	I
1 范围	1
2 术语和定义	1
索引	9
参考文献	15

前 言

本标准按照 GB/T 1.1—2009 给出的规则起草。

本标准由中国标准化研究院提出并归口。

本标准起草单位：中国标准化研究院、深圳华大基因研究院、天津华大基因科技有限公司。

本标准主要起草人：戚菲、孙广芝、张育润、江洲、任冠华、张蕊、王俊、李英睿、杨玲。

生物信息学术语

1 范围

本标准规定了生物信息学领域的基本术语及其定义。

本标准适用于生物信息学领域相关概念的统一、协调,以及学术交流和知识传播。

2 术语和定义

2.1 生物信息学

2.1.1

生物信息学 bioinformatics

应用信息科学及相关学科的方法和技术,研究和分析生物体系和生物过程中信息存储、处理和传递的一门交叉学科。

2.2 生物序列比对

2.2.1

序列比对 sequence alignment

比较两个或两个以上核苷酸或者氨基酸序列间的相似性的过程。

2.2.2

结构比对 structural alignment

比较两个或两个以上蛋白质或核酸分子空间结构的相似性的过程。

2.2.3

基本局部比对搜索工具 basic local alignment search tool; BLAST

基于局部比对的序列数据库搜索工具。

2.2.4

核酸序列 nucleic acid sequence

核酸分子中的(脱氧)核苷酸的排列顺序,常用 IUPAC 的核苷酸字符集进行描述。

2.2.5

结构域 structural domain

蛋白质或核酸分子中具有特定折叠结构和功能的单元。

2.2.6

非翻译区 untranslated region; UTR

在信使核糖核酸中位于编码序列两侧的未被翻译成蛋白质的序列。

2.2.7

保守序列 conserved sequence

在进化过程中基本上不变的核苷酸序列或氨基酸序列。

2.2.8

外显子 exon

真核生物基因的一部分,在剪接后会被保留在成熟核糖核酸分子中的序列。